

# GENES DE RESISTÊNCIA EM ISOLADOS NOSOCOMIAIS GRAM-NEGATIVOS PRODUTORES DE BETALACTAMASES DE ESPECTRO ESTENDIDO NO BRASIL: REVISÃO SISTEMÁTICA

## XIII Encontro de Pesquisa de Pós-Graduação

Carlos Victor Fontenele Pinheiro, Guilherme Mendes Prado, Ludimila Gomes Pinheiro, Francisco Cesar Barroso Barbosa

As Infecções Relacionadas à Assistência à Saúde (IRAS) são consideradas importantes agravos à saúde pública e mundial, frequentemente têm como causa microrganismos multidroga resistentes (MDR) produtores de Beta-lactamases de Espectro Estendido (ESBLs), que são enzimas codificadas por genes de resistência capazes de alterar a estrutura química dos antibióticos beta-lactâmicos. O objetivo deste estudo é realizar uma revisão sistematizada da literatura para identificar os principais microrganismos gram-negativos causadores de IRAS no Brasil e analisar a frequência com que albergam genes de resistência codificadores de ESBL. Para tanto, foram analisados artigos publicados nos últimos 05 anos nas bases de dados Scielo e Pubmed. Utilizando os descritores ESBL e Resistência, foram encontrados 36 artigos, tendo sido selecionados 15, de acordo com os critérios de inclusão que incluíam artigos que tiveram como pesquisa alvo, estudo genético e identificação de genes ESBL no Brasil; e como critérios de exclusão, artigos repetidos e/ou que não citavam aspectos genéticos na pesquisa. Os resultados demonstraram que dentre os microrganismos MDR causadores de IRAS e produtores de ESBL, os mais prevalentes foram *Escherichia-coli*, *Klebsiela pneumoniae*, *P. aeruginosa* e *A. baumannii*, respectivamente. Em relação aos genes de resistência identificados nessas bactérias, bla-CTX-M foi o mais prevalente, seguido por bla-SHV, bla-TEM, KPC, OXA e MCR-1. Portanto, conclui-se que entre as enterobactérias, *E. coli* e *K. pneumoniae*, são os principais causadores de infecção nosocomial no Brasil e albergam com maior frequência genes produtores de ESBL, principalmente do tipo CTX-M e SHV.

Palavras-chave: ESBL, Microrganismos, Resistência antimicrobiana, Enterobactérias, CTX-M..