

DIVERSIDADE GENÉTICA EM GERMOPLASMA DE FEIJÃO-CAUPI AVALIADA POR MEIO DE VARIÁVEIS MULTICATEGÓRICAS

XXXVIII Encontro de Iniciação Científica

Bruna Pinto de Oliveira Leitao, Ramony Kelly Bezerra Oliveira, Israel Oliveira Gomes, Ana Kelly Firmino da Silva, Candida Herminia Campos de Magalhaes Bertini

O feijão-caupi (*Vigna unguiculata* (L.) Walp), popularmente conhecido no Nordeste como feijão de corda, é uma leguminosa pertencente à família Fabaceae e que está presente na alimentação básica dos brasileiros, tendo uma grande importância nutricional e econômica para o Brasil. Objetivou-se com esse trabalho avaliar a diversidade genética entre 54 acessos do banco de germoplasma de feijão-caupi da UFC por meio de variáveis multicategóricas. O experimento foi conduzido na área de multiplicação e regeneração do Banco Ativo de Germoplasma de feijão-caupi da Universidade Federal do Ceará (BAG-UFC). Foram caracterizados morfoagronômica 54 acessos no período de fevereiro a junho de 2019. Os acessos foram semeados em fileiras de 5 m, com espaçamento de 0,5 m entre plantas e 2,0 m entre fileiras. Os descritores utilizados foram baseados nas recomendações do MAPA (2010) para a cultura. A caracterização de cada acesso foi realizada por meio de descritores morfoagronômicos os quais foram, posteriormente, transformados em variáveis multicategóricas. As diferentes categorias de cada variável foram utilizadas para estimar a distância genética e com esta pôde-se obter um dendrograma. Observou-se a formação de 8 grupos no dendrograma. O primeiro grupo é formado pelos acessos 1 a 30. O segundo grupo contém apenas o acesso 21, enquanto o terceiro, pelos acessos 2 a 50, sendo aquele que reuni o maior número de acessos. O quarto grupo apresenta 3 acessos, o quinto sete acessos, o sétimo dois e os grupos seis e oito, somente um único acesso. Os acessos mais similares foram os 22 e 34, e 27 e 28, e os mais distantes geneticamente o 1 e 44. O estudo mostrou a diversidade entre os acessos de feijão-caupi que podem ser usados para futuros estudos de melhoramento genético.

Palavras-chave: VIGNA UNGUICULATA. DESCRITORES MORFOAGRONÔMICOS. VARIABILIDADE GENÉTICA. DENDROGRAMA.