

# ESTUDO DA DIVERSIDADE GENOTÍPICA DE H. PYLORI: ESTUDO DOS GENES CAGT E CAGG EM LESÕES GÁSTRICAS DE DIFERENTES GRAVIDADES

XXXVIII Encontro de Iniciação Científica

Guilherme de Sousa Velozo, Silvia Helena Barem Rabenhorst

A infecção por *H.pylori* é frequente em todo o mundo, atingindo cerca de 50% da população. No Brasil, a estimativa chega a 90%. A bactéria é tida como agente etiológico de lesões gástricas benignas, como as gastrites, que são fatores de risco para o desenvolvimento do câncer gástrico. A evolução de lesões benignas para as de maior gravidade tem relação com o genótipo bacteriano. Um dos genes da bactéria mais bem estabelecidos como fator de patogenicidade é o *cagA*, no entanto, apenas ele não explica a totalidade das lesões. Nesse estudo, pesquisamos os genes *cagG* e *cagT* em lesões gástricas de diferentes gravidades, a fim de descrever melhor a relevância das cepas na patogenicidade. Um total de 198 amostras (*H. pylori* positivas) foi utilizado para a genotipagem, por meio da técnica de PCR. A maioria dos casos foi do gênero feminino (68%), apresentando idade entre 20 e 90 anos, sendo a mediana 55 anos. Observou-se frequência similar para os genes *cagG* e *cagT* (24 e 21%, respectivamente) e 10% positivos para ambos os casos. Não foi vista associação do gênero com a presença dos genes, bem como em relação à idade e a histopatologia. As gastrites foram mais recorrentes nas mulheres e significativamente ( $p < 0.001$ ) mais frequentes que as metaplasias. Das gastrites, 53% são ativas e 47% inativas. A presença de *cagG* e *cagT* nas gastrites ativas foi significativamente ( $p = 0.0471$  e  $p = 0.00043$ , respectivamente) mais presente que nas inativas, mostrando associação do gene com a dispepsia. A presença de *cagG+cagT* apresentou significância em gastrites ativas ( $p = 0.0078$ ), mostrando que os genes da ilha de patogenicidade *cag-PAI* podem estar associados ao grau da gastrite. Não foram obtidos resultados significativos para metaplasia. Os dados apontam que o desfecho dispéptico pode ser também influenciado pelo genótipo bacteriano. Maior número de casos é necessário para identificar associações que possam inferir maior grau de patogenicidade da cepa, incluindo análise de outros genes.

Palavras-chave: Genotipagem. *Helicobacter pylori*. Lesões gástricas. Câncer gástrico.