

# **MICROBIOTA BACTERIANA VAGINAL E O ESTABELECIMENTO DA CANDIDÍASE VULVOVAGINAL**

## **XIII Encontro de Pesquisa e Pós-Graduação**

Ana Raquel Colares de Andrade, Fernando Victor Monteiro Portela, Lívia Maria Galdino Pereira, Santiago Gonçalves Bezerra Moura, Mariana Lara Mendes Pergentino, Rossana de Aguiar Cordeiro

Organismos do gênero *Candida* colonizam pele, trato gastrointestinal e mucosas oral e vaginal de cerca de 70% dos indivíduos. Quando em disbiose, expressam diversos fatores de virulência, como a formação de biofilmes, que em mucosas, estão relacionados a infecções como a candidíase vulvovaginal (CVV). A microbiota vaginal saudável é composta predominantemente por *Lactobacillus* spp., que conferem proteção física e condições ambientais ideais para impossibilitar a invasão de patógenos. Quando há ausência desse caráter protetivo, *Candida* spp. pode atuar como patógeno, havendo mudança para uma microbiota mista, composta principalmente de cocos gram positivos (CG+), bacilos gram positivos (BG+) e gram negativos (BG-). No entanto, estudos mostram que mesmo em uma microbiota considerada “saudável” pode haver invasão fúngica e desenvolvimento da CVV. Dada a importância clínico-epidemiológica da doença, este trabalho objetivou avaliar a composição da microbiota bacteriana em amostras de pacientes com CVV. Cinco amostras positivas para CVV foram avaliadas em microscopia ótica por meio da coloração de Gram. As amostras foram usadas para formação de biofilme em microcosmos nos tempos de 24h e 48h. Também foi realizado sequenciamento gênico do gene 16S RNA para verificação da abundância relativa. Em duas das cinco amostras avaliadas foram encontradas microbiota predominante de *Lactobacillus* spp., pela observação da presença de BG+ em abundância no esfregaço. Nas outras três amostras, observou-se microbiota mista, com presença de CG+, BG+ e BG-. O sequenciamento gênico das amostras com lactobacilos revelou a presença de *L.acidophilus*, *L.crispatus*, *L.galinarum* e *L.iners*. No entanto a abundância relativa diferiu entre elas, sendo *L.acidophilus* mais abundante na amostra 561 e *L.galinarum* e *L.crispatus*, na amostra 608. Este estudo faz parte de um ensaio mais abrangente e ainda em desenvolvimento que avalia o papel dos biofilmes nos aspectos microbiológicos da CVV.

**Palavras-chave:** Vaginite. *Candida* sp.. Microbiota. *Lactobacillus* sp..