

Frequência e perfil de sensibilidade de isolados nosocomiais de *Pseudomonas aeruginosa* multidroga resistentes

XXXIX Encontro de Iniciação Científica

Marina Rodrigues Silva, Stephanie de Almeida, Francisco Antonio Fernando Pereira da Silva, Guilherme Mendes Prado, Ludimila Gomes Pinheiro, Francisco Cesar Barroso Barbosa

Em ambientes hospitalares, *Pseudomonas aeruginosa* representa um maior risco de mortalidade para pacientes imunologicamente comprometidos, além disso isolados nosocomiais têm alta virulência e apresentam perfil de resistência a múltiplas drogas (MDR). Este trabalho teve o objetivo de analisar a frequência e o perfil de sensibilidade de *P. aeruginosa* isoladas de pacientes internados em um hospital de ensino em Sobral-CE. Os espécimes analisados fazem parte do banco de dados do Laboratório de Microbiologia e Parasitologia (LAMP) da UFC/Campus Sobral. Foi realizada coleta de dados secundários por meio de informações presentes no LAMP, analisando os locais de coleta, origem biológica, perfil de sensibilidade e dados provenientes das análises moleculares em relação a ocorrência dos genes de resistência bla-TEM like, bla-SHV like, bla-CTX-M 1/2, bla-IMP-1, bla-KPC like, bla-GES like, bla-SPM-1, bla-NDM-1 e bla-VIM like. Foram analisados 38 espécimes de *P. aeruginosa*, dos quais 22 (57,9%) eram provenientes de homens e 16 (42,1%) de mulheres. 50% das amostras foram isoladas de pacientes em enfermarias e 26,3% foram coletadas do sangue. Além disso, 16 antibióticos foram testados, sendo que todos os isolados apresentaram resistência à Cefoxitina e Tigeciclina, e a maioria foi sensível à Colistina. Dentre os genes analisados, bla-CTX-M 1/2 foi o mais prevalente, enquanto que o bla-GES like foi o mais identificado entre os produtores de carbapenemases. Portanto, esses resultados sugerem que o ambiente hospitalar, particularmente as enfermarias no equipamento de saúde analisado, possuem alta frequência de infecção por *P. aeruginosa* MDR. Além disso, o uso indiscriminado de antibióticos em conjunção com a seleção natural, resulta numa maior ocorrência de microrganismos com perfil de multiresistência, ressaltando-se a importância da análise desse perfil para uma terapêutica adequada

Palavras-chave: *Pseudomonas aeruginosa*, Resistência, Frequência, Virulência, gene bla-CTX-M 1/2..